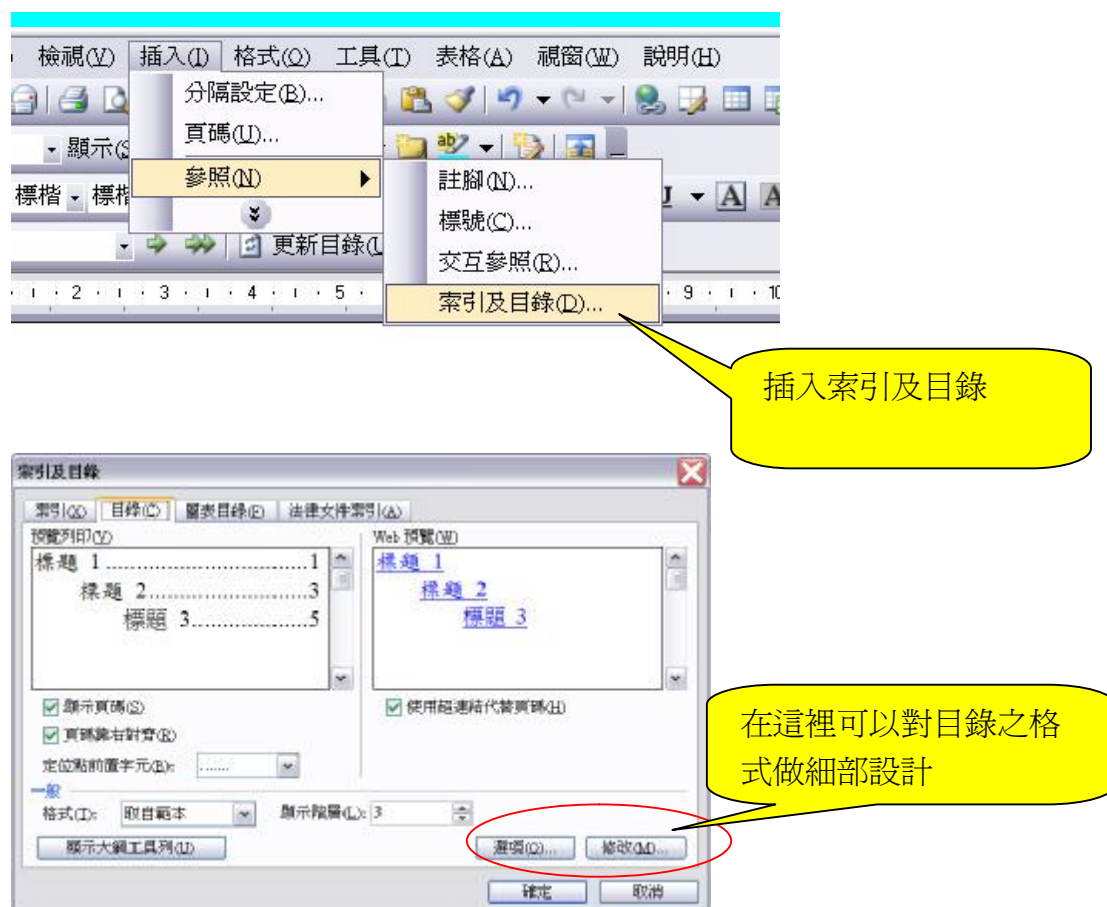
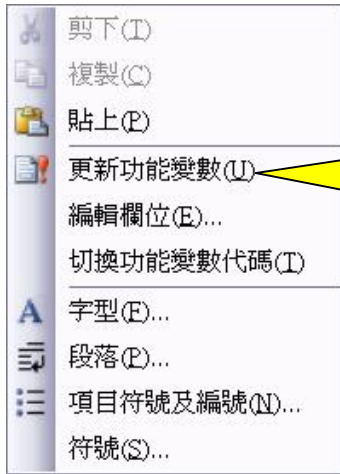


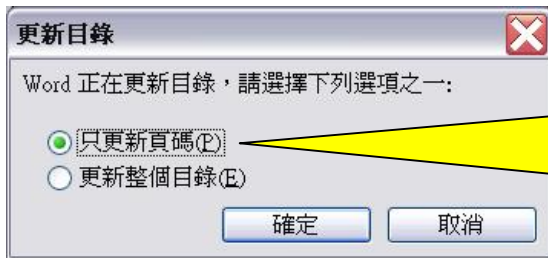
Q: 如何插入目錄？（圖目錄、表目錄也是類似作法）



Q: 當論文有增刪時，如何更新目錄之頁碼？或章節標題有修改時，如何更新目錄之內容？



將滑鼠移至目錄區域，按下右鍵，出現此畫面，選擇「更新功能變數」



(1)接著出現此畫面，選擇「只更新頁碼」，或是當你的章節標題有所修改增刪時，必須選擇「更新整個目錄」

Q: 標題 1, 2, 3 等樣式要如何修改設定(符合你學校規定的字體、大小等)?



選擇樣式與格式

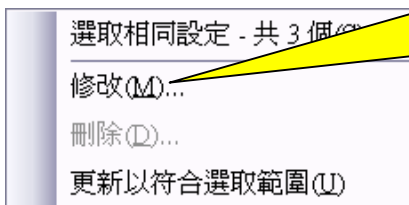


屬性篩選參數，可以

選擇樣式與格式
出現這個畫面

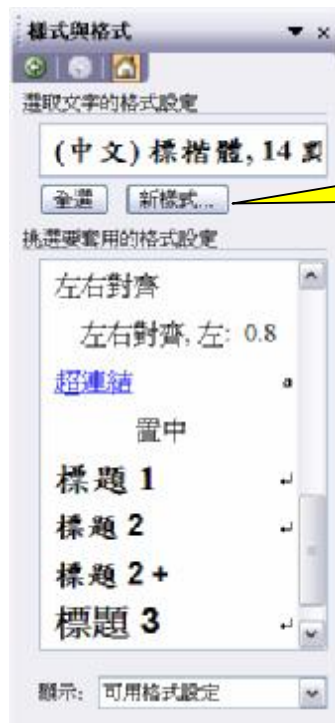


選擇你要修改的
標題或其它樣式



接著按下右鍵，出
現這個畫面，選取
修改就可以改成
你要的樣式

Q: 當然，你也可以新增你的樣式



選這裡增加新樣式！

目錄放在這裡：

插入->參照->索引及目錄->目錄

目錄

1. 緒論.....	6
1.1 研究背景與動機.....	6
1.3 研究目的.....	6
1.5 預期成果.....	6
1.4 研究重要性與貢獻性.....	6
1.5 章節安排.....	7
2. 研究議題與進行步驟.....	7
2.1 研究子題.....	7
2.2 初步研究結果.....	7
2.3 進行步驟、預期完成之工作.....	8

1. 緒論

1.1 研究背景與動機

資料探勘(Data Mining)是由大量資料中探勘出不明確的、未知的以及潛在的有用資訊之過程(Han and Kamber 2001)，資料探勘有許多不同的功能，如做分類(Classification)、預測(Prediction)、關聯法則(Association)、分群(Clustering)等。其中「分類」是從已定義類別的屬性集合中，根據目標屬性建立出在資料間的法...

1.3 研究目的

本研究之目的為了解決 SVM 在參數調整與輸入屬性選擇的最佳化問題，研究主要嘗試解決以下難題：

本研究的最終目的是要讓 SVM 的運作具備有最佳化參數調整以及最佳化數性篩選的功能。

1.5 預期成果

(1)第一年預期成果：

建立一個以遺傳演算法調整支援向量機參數並進行屬性篩選之系統，可以同時得到 SVM 的輸入屬性，以及其搭配的 SVM 最佳化參數，可以得到最好的分類準確度。

1.4 研究重要性與貢獻性

本研究之重要性與貢獻性說明如以下 4 點：

1.5 章節安排

本文後續章節安排如下：第 2 章說明研究議題與進行步驟，第 3 章相關文獻與理論探討，第 4 章為第一年計畫系統架構與方法，第 5 章為第二年計畫系統架構與方法，第 6 章為第一年計畫初步研究之結果，第 7 章為結論。

2. 研究議題與進行步驟

2.1 研究子題

本研究之兩年期的計畫：

第一年計畫為：

「用遺傳演算法調整支援向量機參數並進行屬性篩選」，

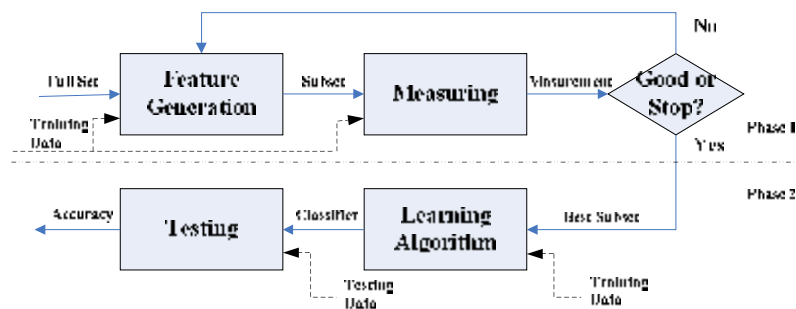


圖 2.1 屬性化簡的 Filter 模式

2.2 初步研究結果

第二年計畫：尚未有具體研究成果。

樣式選擇為「圖標題」（圖標題需自訂樣式，字型與大小）

2.3 進行步驟、預期完成之工作

樣式選擇為「表標題」(表標題需自訂樣式，字型與大小)

表 2-1 預期工作項目、進度與預期成效

工作項目	進度
第一年計畫:「用遺傳演算法調整支援向量機參數並進行屬性篩選」	
1. 整理文獻	
2. 基因演算法之染色體設計	
3. 基因演算法之 fitness function 設計	
4. 實驗資料集準備	
5. 程式撰寫	